

ANÁLISE DE TRANSCRITOS EM CÉLULAS HUMANAS INFECTADAS PELO VÍRUS DENGUE 4

Karen de Abreu Bentes^{1,3}, Fernanda Rodrigues Dias⁴, Lucas dos Santos Pamponet⁴, Karla Fabiane Lopes de Melo^{2,3}, Paloma Daguer Ewerton dos Santos³, Francisco Canindé Ferreira de Luna², Samir Mansour Moraes Casseb².

1. Instituto Evandro Chagas
2. Universidade Federal do Pará
3. Escola Superior Madre Celeste
4. Escola Superior da Amazônia

Introdução: O vírus da Dengue pertencente ao gênero Flavivirus, da família Flaviviridae, é formado por quatro sorotipos (VDEN-1, VDEN-2, VDEN-3 e DENV-4) e é uma das mais importantes arboviroses como morbidade e letalidade. **Objetivos:** Analisar os transcritos de células humanas infectadas por VDEN4 em diferentes períodos da infecção. **Material e Métodos:** Foram utilizadas células humanas HEK-293 infectadas por VDEN4 e acompanhadas por 4 períodos diferentes, extraído seu RNA através e realizado o RNA-seq utilizando a plataforma NEXTSEQ 550 (Illumina, EUA). Para a análise do transcrito foi utilizado o método de tuxedo através da plataforma online Galaxy. **Resultados:** Foram gerados de 150 a 250 milhões de reads por amostra sequenciada, após a análise e plotagem dos resultados foi observada expressões diferentes durante a infecção, onde 5 genes que obtiveram maiores diferenças de expressão para uma análise mais profunda. **Conclusão:** A infecção viral por VDEN4 obteve maior carga viral 3 dias após a infecção. Dos 5 genes mais diferencialmente expressos apenas MOXD1 não obteve uma clara relação com a infecção. Além disso, IGHG1, DUSP5, NOV e MICAL2 mostraram possuir uma relação direta com a patogênese viral e a evasão imunológica.

karen.abreu2004@gmail.com