

RESUMO - PROTOZOOLOGIA E PATÓGENOS TRANSMITIDOS POR
VETORES

**CARACTERIZAÇÃO MOLECULAR DE HEMOPLASMAS EM IRARA (EIRA
BARBARA) COM A DESCRIÇÃO DE POSSÍVEL NOVA ESPÉCIE**

Vinícius Baggio De Souza (vbagios@gmail.com)

Laura Berger Nunes (laurabergervet@gmail.com)

Rafaela Mallmann Bohn (rafambohn@hotmail.com)

Ana Carolina Contri Natal (anacarolinacontri@gmail.com)

Bruna Zafalon-Silva (brunazs@gmail.com)

Eduardo Zoratto Borges De Assis (duduzba@hotmail.com)

Aline Giroto-Soares (girottoalinevet@gmail.com)

Eduardo Eizirik (eduardo.eizirik@pucrs.br)

Joao Fabio Soares (jfsvet@gmail.com)

Hemoplasmas são bactérias sem parede celular da classe Mollicutes que infectam a superfície dos eritrócitos de humanos e de diversas espécies animais. O registro de diferentes espécies deste grupo de parasitos é comum devido ao seu caráter espécie-específico. A irara (Eira barbara), é um mamífero

carnívoro da família dos mustelídeos, é encontrada em vários biomas brasileiros. Neste estudo, foram analisadas 22 amostras de sangue de animais capturados ou em reabilitação, além de amostras de tecido (músculo e baço) coletadas de carcaças provenientes de sete estados do Brasil. O material genético foi extraído para triagem por PCR convencional (cPCR) do gene 16S rRNA e as amostras positivas foram submetidas à cPCR para o gene 23S rRNA. Cinco das 22 amostras testaram positivo para ambos os genes, obtendo-se três sequências de cada. No eletroferograma, observaram-se picos duplos isolados para os genes 16S e 23S de um dos indivíduos (Eb#18), inviabilizando o uso completo da sequência. A análise BLASTn das amostras Eb#17 e Eb#21 revelou 98,98–99,22% de identidade (95% de cobertura) no gene 16S rRNA com '*Candidatus Mycoplasma haematothagiwarae*' (PV344716) de furão-pequeno (*Galictis cuja*) do Brasil. A amostra Eb#18 apresentou maior similaridade (98,71% de identidade, 99% de cobertura) com sequências de '*Candidatus Mycoplasma haematolongicaudis*' (PV344715) de lontra-neotropical (*Lontra longicaudis*). Para o gene 23S rRNA, Eb#17 e Eb#22 mostraram 98,61% de similaridade com '*C. M. haematothagiwarae*' (PV345778), enquanto Eb#18 teve maior identidade com *Mycoplasma enhydrae* (93,40%) (OQ723153). A árvore filogenética de máxima verossimilhança agrupou as sequências deste trabalho próximas às de outros mustelídeos no macroclado de *Mycoplasma suis*. A baixa identidade da amostra Eb#18 no gene 23S, associada à sua ocorrência em uma espécie hospedeira sem registros prévios de hemoplasmas, cumpre os critérios para a proposição de uma nova espécie. Contudo, a presença de picos duplos isolados em regiões de mutação comum, coincidente com as posições das demais sequências deste estudo, sugere uma provável coinfeção. A presença de '*Ca. M. haematothagiwarae*' compartilhada entre furões e iraras, abre discussões sobre uma possível recente especiação destes hemoplasmas, bem como a característica espécie-específico dos Mollicutes. Conclui-se que este trabalho descreve a possível presença de uma nova espécie '*Candidatus*' de hemoplasma em iraras, acompanhada de provável coinfeção com um genótipo de hemoplasmas de furões.

Palavras-chave: mustelidae; mycoplasma hemotrópico; '*candidatus mycoplasma*'; carnívora.

