

RESUMO - HELMINTOLOGIA

PRIMEIRA DESCRIÇÃO DE PROSORHYNCHOIDES BOREALIS (DIGENEA, BUCEPHALIDAE) EM CHLOROSCOMBRUS CHRYSURUS (LINNAEUS) (ACTINOPTERYGII) COLETADOS NO ESTADO DO RIO DE JANEIRO, BRASIL

Rafaela De Jesus Oliveira (rafaeladejesusoliveira9@gmail.com)

Luis Ñacari Enciso (luis.nacari.enciso@ua.cl)

Fabiola Sepulveda (fabiola.sepulveda@uantof.cl)

Marcelo Enrique Oliva (marcelo.oliva@uantof.cl)

José Luis Fernando Luque Alejos (luqueufrj@gmail.com)

Chloroscombrus chrysurus (Carangidae), popularmente conhecido como palombeta, é um peixe marinho amplamente distribuído ao longo da costa brasileira, apresentando importância econômica e grande demanda nos mercados e peixarias do estado do Rio de Janeiro, contudo, os estudos relacionados a fauna parasitária de peixes da família Carangidae ainda são escassos. Outrossim, os mesmos podem atuar como hospedeiros de diversos helmintos parasitos, dentre estes os digenéticos da família Bucephalidae. Dentre as espécies descritas para este grupo, *P. borealis* (Digenea) tem sido reportada parasitando diferentes hospedeiros em outras regiões,

entretando, até o momento há apenas um registro de ocorrência dessa espécie no Brasil, porém em mexilhão marrom, um bivalve pertencente à família Mytilidae. Neste contexto, objetivou-se neste estudo identificar, através da biologia molecular, trematódeos parasitando *C. chrysurus* coletados no estado do Rio de Janeiro. Espécimes de *C. chrysurus* foram necropsiados a fim de verificar-se a presença de helmintos parasitas e os mesmos foram coletados da cavidade corporal e trato digestório sendo posteriormente identificados como pertencentes ao gênero *Proisorhynchoides* por meio de análises moleculares. Para a confirmação diagnóstica, o DNA genômico foi extraído dos espécimes e um fragmento do gene ribossomal 18s rDNA foi amplificado por meio da reação em cadeia da polimerase (PCR) e posteriormente sequenciado. Através das sequências obtidas, que foram editadas e submetidas a análises de similaridade através da ferramenta BLASTn, pôde-se comparar com as sequências disponíveis no GenBank. As análises moleculares apresentaram alta similaridade (superior a 99%) com as demais sequências previamente depositadas para *Proisorhynchoides borealis*, corroborando com a identidade específica dos espécimes analisados. Portanto, a ocorrência deste parasito em *C. chrysurus* representa um novo registro de hospedeiro para esta espécie. Ademais, o presente estudo constitui o primeiro registro de *P. borealis* parasitando *C. chrysurus* no estado do Rio de Janeiro, contribuindo para a ampliação do conhecimento acerca da distribuição geográfica e nos hospedeiros associados ao trematódeo da família Bucephalidae. Portanto, conclui-se que estes resultados contribuem não apenas para o conhecimento sobre a distribuição geográfica, mas principalmente para o entendimento da diversidade parasitária em peixes marinhos da costa brasileira, além de evidenciar a importância da utilização de ferramentas moleculares na identificação de trematódeos.

Palavras-chave: carangidae; digenea; bucephalidae; *proisorhynchoides borealis*.