

ANÁLISE GENÉTICA DE *Libyostrongylus douglassii*, *Libyostrongylus dentatus* E *Codiostomum struthionis* ORIUNDOS DE AVESTRUZES DE MOÇAMBIQUE

Edna Barcelos Alves, Maria Vitória Lamóglia Bastos Ferreira, Renato Augusto DaMatta, Clóvis de Paula Santos

Universidade Estadual do Norte Fluminense Darcy Ribeiro

E-mail do autor principal: edna.alvesbarcelos@gmail.com

Grupo Temático: Eixo IX: Divulgação Científica

Resumo: O estudo está sendo desenvolvido no município de Campos dos Goytacazes, RJ, na Universidade Estadual do Norte Fluminense (UENF), tendo como público-alvo principal os produtores rurais da região. Como uma iniciativa de ação extensionista e divulgação científica, a contribuição esperada reside no desenvolvimento de protocolos de manejo sanitário eficazes. Tais medidas visam à mitigação de perdas econômicas e ao auxílio direto na redução do uso indiscriminado de fármacos, promovendo a sustentabilidade da criação. Os nematoides *Libyostrongylus douglassii*, *Libyostrongylus dentatus* e *Codiostomum struthionis* são parasitos encontrados em avestruzes de diferentes estados do Brasil. O fato dessas duas espécies de *Libyostrongylus* coabitarem nos hospedeiros criados em território brasileiro levantou a necessidade de entender a origem evolutiva desse parasitismo. Acredita-se que distintas espécies de *Libyostrongylus* teriam origem em diferentes subespécies de avestruzes, distribuídas em diferentes regiões do continente africano. Essas espécies teriam passado a habitar o mesmo hospedeiro durante o processo de desenvolvimento e dispersão da subespécie doméstica. O objetivo central desta pesquisa é ampliar o conhecimento sobre a diversidade e a distribuição desses parasitos, destacando seus possíveis impactos na produção animal. Para compreender a distribuição das espécies de *Libyostrongylus* no ambiente natural, foram coletadas amostras de duas reservas na África: uma na Etiópia e outra em Moçambique. Larvas obtidas de avestruzes da subespécie *Struthio camelus molybdophanes*, na Etiópia, foram caracterizadas por morfometria e análise genética, confirmando a presença de *L. dentatus*. Já as amostras de Moçambique foram caracterizadas apenas morfológicamente, carecendo de análise molecular, que é o alvo desta proposta de estudo. Morfológicamente, foram identificadas três espécies cujas larvas serão utilizadas para a extração de DNA e amplificação dos genes ribossomais ITS1 e ITS2. Os dados permitirão a construção de árvores filogenéticas para comparar a variabilidade genética entre as populações de Moçambique, Brasil e Etiópia, consolidando o entendimento sobre a diversidade dessas espécies.

Palavras-chave: nematoides, biologia molecular, ITS1