



XI CONGRESSO DA SOCIEDADE PAULISTA DE PARASITOLOGIA

“Parasitologia Translacional: Da Pesquisa Básica a Saúde Pública”

10 a 12 de abril de 2026 – São Paulo (SP)

PRIMEIRA IDENTIFICAÇÃO DE *Cryptosporidium meleagridis* EM MARITACAS (*Psittacara leucophthalmus*)

Michel dos Santos Pinto^{1*}; João Alfredo Biagi Camargo Neto¹; Grazielli Aparecida Messias de Assis¹; Guilherme Zaratin Dumalakas¹; Michelle Santos Sabioni¹; Maria Carolina Corrêa Leite Gimenes de Almeida²; Marcelo Vasconcelos Meireles¹; Katia Denise Saraiva Bresciani¹

¹Universidade Estadual Paulista (Unesp), Faculdade de Medicina Veterinária, campus Araçatuba, São Paulo, Brasil.

²Universidade Estadual Paulista (Unesp), Faculdade de Ciências Agrárias e Veterinárias, campus Jaboticabal, São Paulo, Brasil.

*Autor correspondente: ms.pinto@unesp.br

Nesta pesquisa, foi investigada a diversidade genética de *Cryptosporidium* spp. em 65 maritacas (*Psittacara leucophthalmus*) de vida livre no estado de São Paulo, Brasil. Por meio da nested PCR em tempo real do gene 18S rRNA e pela nested PCR convencional dos genes actina e da proteína do choque térmico (HSP-70), duas amostras foram positivas para *Cryptosporidium* spp., perfazendo uma ocorrência de 3,08% (IC 95%: 0,85 – 10,54%). Entretanto, não foram notados sinais clínicos característicos de criptosporidiose assim como não foram observados oocistos do referido protozoário nos exames coproparasitológico das aves em questão. Os amplicons obtidos nesse estudo foram submetidos ao sequenciamento bidirecional de Sanger. Dentre as amostras positivas, uma apresentou sequências com qualidade para análise dos genes 18S rRNA e HSP70, exibindo, respectivamente, 100% e 99,64% de similaridade genética com sequências de *Cryptosporidium meleagridis* depositadas no Genbank. Na sequência do gene HSP-70 identificada nesse estudo (PZ019878), foi observada a substituição sinônima de uma adenina por uma guanina no nucleotídeo 870 da sequência (AF329191). Entretanto, por meio da análise filogenética com sequências do gene HSP-70 de *Cryptosporidium* spp. foi possível comprovar que a sequência de *Cryptosporidium* identificada está intimamente ligada às sequências de *C. meleagridis*, agrupando-se no mesmo clado e compartilhando um ancestral comum com *C. parvum* e *C. hominis*. A nested PCR direcionada ao gene da glicoproteína de superfície do parasito (GP60) foi efetuada; porém, não se obteve quantidade suficiente de amplicons, provavelmente devido à baixa quantidade de oocistos presentes na amostra fecal, o que impossibilitou a subgenotipagem. Desta forma, pela primeira vez no mundo, *C. meleagridis*, um protozoário com potencial zoonótico, foi identificado em maritacas (*P. leucophthalmus*), aves com comportamento sinantrópico no Brasil.

Palavras-chave: Apicomplexa; psitacídeos; zoonoses.

Apoio: Fundação de Amparo à Pesquisa do Estado de São Paulo (Fapesp)