

## RESISTÊNCIA AOS ANTIMICROBIANOS DE *AEROMONAS SPP.* ISOLADAS DE *Macrobrachium amazonicum* CAPTURADOS NA FOZ DO RIO AMAZONAS

### ODS 2

Mayara Souza de Carvalho (Universidade Federal do Amapá)

Bruno de Lucas Barros da Silva (Universidade Federal do Amapá)

Thais Ribeiro da Silva (Universidade Federal do Amapá)

Ártemis Socorro do Nascimento Rodrigues (Universidade Federal do Amapá)

A resistência aos antimicrobianos é uma ameaça crescente à saúde pública e à segurança alimentar em diversas regiões do mundo. O *Macrobrachium amazonicum* é uma importante fonte de proteína e renda na região amazônica, mas o uso de antimicrobianos na aquicultura favorece a disseminação de bactérias resistentes, representando um risco significativo à saúde da população e à sustentabilidade da produção aquícola. O estudo teve como objetivo principal identificar genes associados à resistência a antimicrobianos em *Aeromonas spp.* isoladas de *Macrobrachium amazonicum* capturados na foz do Rio Amazonas. As amostras foram coletadas na feira da Fazendinha, em Macapá-AP, local de intensa comercialização de pescado, e processadas em laboratório para o isolamento das bactérias de interesse. Foram utilizadas técnicas microbiológicas tradicionais, incluindo cultivo em ágar GSP e provas bioquímicas de oxidase e indol, para confirmação precisa do gênero *Aeromonas*. Para a análise molecular, procedeu-se à extração do DNA genômico dos isolados e à realização da reação em cadeia da polimerase (PCR), visando detectar os genes *qnrA*, *qnrB*, *qnrS* e *bla-CTX-M*, os quais estão associados à resistência a quinolonas e  $\beta$ -lactamases de espectro estendido. Ao todo, foram isoladas 20 colônias bacterianas, das quais 45% apresentaram o gene *qnrA*, 5% o *qnrB* e 20% o *bla-CTX-M*, não sendo detectado o gene *qnrS*. Além disso, foi observada a co-ocorrência de genes em alguns isolados: uma amostra apresentou *qnrA* + *qnrB* e três amostras apresentaram *qnrA* + *bla-CTX-M*, evidenciando que algumas bactérias possuem múltiplos mecanismos de resistência. Esses resultados demonstram a presença de genes de resistência antimicrobiana em *Aeromonas spp.* isoladas de camarões da espécie *Macrobrachium amazonicum*, configurando risco real à saúde pública e reforçando a importância de medidas contínuas de monitoramento e controle, a fim de garantir alimentos seguros e uma produção aquícola sustentável.

**Palavras-chave:** *Aeromonas spp.*; *Macrobrachium amazonicum*; Resistência; Rio Amazonas