

SUBMISSÃO / RESUMO-EDITAIS (PROPEGI/PROEC/PROGRAD) -
TRABALHOS LOCAIS - PESQUISA

**ANÁLISE COMPARATIVA DA DISTRIBUIÇÃO DOS DNAs SATÉLITES MAIS
ABUNDANTES EM BESOUROS DO GÊNERO COPROPHANAEUS**

Liliane Lopes Mota (lilylopes958@gmail.com)

Igor Costa De Amorim (igor.amorimc@gmail.com)

Rita De Cássia Moura (rita.moura@upe.br)

Espécies do gênero *Coprophanæus* apresentam cromossomos difásicos, que possuem um dos braços heterocromatinizado. Este estudo objetivou mapear DNAs satélites em três espécies de *Coprophanæus*, para identificar sequências relacionadas à formação destes cromossomos. Foram analisados os cariótipos das espécies *C. cyanescens*, *C. dardanus* e *C. ensifer*, coletadas em remanescentes de Mata Atlântica de Pernambuco. Para a hibridização *in situ* fluorescente (FISH), foram usadas 12 sondas de sDNAsat correspondentes aos cinco satélites mais abundantes em cada espécie, com base na caracterização dos satelitomas. Dentre esses sDNAsat, nove foram compartilhados pelas três espécies, um (CcySat40_CdaSat03) ocorre apenas em *C. cyanescens* e *C. dardanus*, um (CcySat64_CenSat03) apenas em *C. cyanescens* e *C. ensifer*, e um (CenSat05) específico de *C. ensifer*. Os DNAsat foram localizados em

regiões pericentroméricas, com amplificação ao longo dos braços dos cromossomos autossômicos e sexuais, na maioria dos pares cromossômicos, correspondendo a riqueza da heterocromatina constitutiva (HC). Adicionalmente estão localizados em regiões eucromáticas. As marcações foram em blocos e também dispersas. sDNAsat também foram observados em regiões intersticiais, principalmente em *C. ensifer*. Alguns sDNAsat exibiram heteromorfismo quanto à localização e tamanho do sinal com expansão ou não das sequências nos cromossomos homólogos, bem como presença ou ausência de marcação. Esses resultados demonstram que diferentes sDNAsat estão relacionados a composição dos cromossomos difásicos no gênero. Contudo, o acúmulo de um ou poucos sDNAsat específicos as espécies e os sDNAsat CcySat01_CdaSat01_CenSat08 e/ou CcySat02_CdaSat02_CenSat01, que são comuns as três espécies, provavelmente estão relacionados a formação de cromossomos difásicos. A amplificação destes sDNAsat devem estar ocorrendo, dentre possíveis mecanismos, por meio de elementos de transposição, os quais são diversificados nestas espécies.

Palavras-chave: coleoptera; fish; dna repetitivo.