



MÁS ALLÁ DE LOS DECÁPODOS: DIVERSIDAD GENÉTICA DE *Raillietiella teagueselfi* (CRUSTACEA: PENTASTOMIDA) EN GECKOS URBANOS DE NUEVO LEÓN, MÉXICO

María Concepción Jordán Hernández¹; Amayrani Samira Luna Vásquez¹; Manuel de Luna González²

¹ Universidad Autónoma de Nuevo León, Facultad de Ciencias Biológicas, Ciudad Universitaria, Pedro de Alba S/N, C.P. 66455, San Nicolás de los Garza, Nuevo León, México.

² Universidad Autónoma de Nuevo León, Facultad de Ciencias Forestales, Carretera a Ciudad Victoria km 145, C.P. 67700, Linares, Nuevo León, México.

cony.jordan2@gmail.com

Raillietiella teagueselfi Riley, McAllister & Freed, 1988 (Crustacea: Pentastomida) es un endoparásito pulmonar de reptiles, poco documentado en México y con escasos estudios genéticos. En este trabajo se evaluó su prevalencia e intensidad de infección en el gecko invasor *Hemidactylus turcicus* (Linnaeus, 1758) en entornos urbanos de Nuevo León, México, además de analizar la diversidad genética del parásito. Se examinaron 66 individuos de *H. turcicus*, de los cuales 36.36 % (n = 24) presentaron infección, con cargas de hasta 36 ejemplares por hospedero. Los análisis moleculares basados en el gen mitocondrial COI revelaron baja diversidad genética en *R. teagueselfi*. Se identificaron dos haplotipos en un fragmento de 611 pb, separados por dos sustituciones. El haplotipo dominante estuvo presente en el 95 % de las secuencias (19/20), con valores de diversidad haplotípica y nucleotídica bajos (Hd = 0.10). El análisis de varianza molecular (AMOVA) mostró que 81.73 % de la variación ocurre dentro de las poblaciones, con estructura genética poco definida (FST = 0.0182). Estos resultados sugieren una introducción reciente del parásito junto con *H. turcicus* y un flujo génico constante entre municipios. De forma complementaria, se evaluaron secuencias de *Raillietiella orientalis* (Hett, 1915) depositadas en GenBank, obtenidas de serpientes como *Tropidonophis mairii* (Gray, 1841), *Demansia vestigiata* (De Vis, 1884) y *D. papuensis* (Macleay, 1877). La diversidad haplotípica fue moderada (Hd = 0.5833) y algunos haplotipos se compartieron entre hospederos, lo que refuerza el carácter generalista del género. Una secuencia divergente (~5 %) formó un haplotipo único, lo que sugiere la posible existencia de una segunda especie. Sin embargo, al tratarse de secuencias públicas y sin ejemplares de referencia, no fue posible corroborar diferencias morfológicas, como la forma y longitud de los ganchos, el número de anillos corporales o las características de las espículas copulatorias en machos, rasgos clave en la delimitación de especies de *Raillietiella*. En conjunto, los hallazgos evidencian una prevalencia considerable de *R. teagueselfi* en *H. turcicus* y refuerzan su potencial como vector de spillover hacia reptiles nativos en ambientes urbanos. Aunque la baja diversidad genética y la homogeneidad poblacional sugieren una introducción reciente asociada al gecko invasor, los reportes de infección en reptiles nativos en Nuevo León indican que *R. teagueselfi* podría comportarse como parásito generalista, de manera análoga a *R. orientalis*. Confirmar esta condición requiere un muestreo más amplio en hospederos silvestres y la integración de análisis moleculares con evidencia morfológica.

Palabras clave: *Hemidactylus turcicus*; *Raillietiella teagueselfi*; spillover